

العلامة	عناصر الإجابة (الموضوع الأول)	
مجموع	مجراة	
1	0.75 0.25	<p>التمرين الأول (06 نقاط):</p> <p>(1) كتابة البيانات المرقمة:</p> <p>1- بنية ثانوية مطوية β. 2- بنية ثانوية حلزونية α. 3- منطقة انعطاف.</p> <p>- تحديد المستوى البنائي: بنية ثلاثية.</p> <p>(2) تمثيل الصيغة الكيميائية للجزء المؤطر (م):</p> $ \begin{array}{c} -\text{CO}-\text{CH}-\text{NH}- \\ \\ (\text{CH}_2)_2 \\ \\ \text{COO}^- \\ \\ \text{NH}_3^+ \\ \\ (\text{CH}_2)_4 \\ \\ -\text{NH}-\text{CH}-\text{CO}- \\ \end{array} $ <p>- حساب الكتلة المولية: $(257 \text{ g/mol}) - (147 + 146) = 36$ غ/المول</p>
1.25	0.75	<p>(3) تعليم مستوى البنية:</p> <ul style="list-style-type: none"> - سلسلة ببتيدية واحدة. - بنيات ثانوية حلزونية وبنيات ثانوية ورقية. - وجود مناطق انعطاف.
0.75	0.75	<p>(4) النص العلمي:</p> <ul style="list-style-type: none"> • تظهر البروتينات بنيات فراغية ووظائف مختلفة. فما العلاقة بين بنية ووظيفة البروتين؟ (0.5) • يتوقف التخصص الوظيفي للبروتين على بنيته الفراغية (0.25 ن) والتي يحددها عدد ونوع الأحماض الأمينية الدالة في تركيب السلسلة الببتيدية (0.5) وكذا الروابط الكيميائية (جسور كبريتية، شاردية، هيدروجينية، قوى كارهة للماء) (0.5) الناشئة بين السلاسل الجانبية لأحماض أمينية محددة ومتوسطة بطريقة دقيقة (0.25) تسمح بتقارب بعض الأحماض الأمينية مشكلة منطقة فعالة تكسب البروتين الوظيفة. (0.25) • أي خلل في المورثة يؤدي إلى تغير البنية الفراغية مما يفقد البروتين تخصصه الوظيفي. (0.25) • إذن المحافظة على البنية الفراغية للبروتين تؤدي إلى المحافظة على أداء وظيفته. (0.25)
3	0.50 2	

العلامة مجموع مجازأة	عناصر الإجابة (الموضوع الأول)										
	<p>التمرين الثاني: (4 نقطه) الجزء الأول:</p> <p>1) التعرف على الخلايا مع ذكر الأسس المعتمدة:</p> <table border="1"> <thead> <tr> <th>الخلية</th> <th>الأسس المعتمدة</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td>LT₄.</td> <td>تتعرف على محدد المستضد المعروض على CMH II للبالعات الكبيرة.</td> </tr> <tr> <td>LT8.</td> <td>تتعرف على محدد المستضد المعروض على CMH I للخلايا المصابة.</td> </tr> <tr> <td>LB.</td> <td>تتعرف على المستضد مباشرة بواسطة مستقبلها الغشائي BCR.</td> </tr> <tr> <td>خلية بالعة.</td> <td>تبليغ المستضد وتعرض محدداته على CMH.</td> </tr> </tbody> </table> <p>2) استنتاج العلاقة الوظيفية:</p> <ul style="list-style-type: none"> - تُحسّن البالعة الكبيرة الخلية LT4 بعرض محدد المستضد مرتبطاً بـ CMH II. - إفراز البالعة الكبيرة IL1 لتنشيط الـ LT4. 	الخلية	الأسس المعتمدة	LT ₄ .	تتعرف على محدد المستضد المعروض على CMH II للبالعات الكبيرة.	LT8.	تتعرف على محدد المستضد المعروض على CMH I للخلايا المصابة.	LB.	تتعرف على المستضد مباشرة بواسطة مستقبلها الغشائي BCR.	خلية بالعة.	تبليغ المستضد وتعرض محدداته على CMH.
الخلية	الأسس المعتمدة										
LT ₄ .	تتعرف على محدد المستضد المعروض على CMH II للبالعات الكبيرة.										
LT8.	تتعرف على محدد المستضد المعروض على CMH I للخلايا المصابة.										
LB.	تتعرف على المستضد مباشرة بواسطة مستقبلها الغشائي BCR.										
خلية بالعة.	تبليغ المستضد وتعرض محدداته على CMH.										
3	<p>الجزء الثاني:</p> <p>1) تحليل مقارن للمنحنى المتحصل عليها في كل غرفة:</p> <ul style="list-style-type: none"> - تمثل المنحنى تغيرات كمية كل من الأجسام المضادة، البرفورين، ADN الخلوي و ADN الفيروسي على مستوى كل من الغرفتين (1) و (3) بدلالة الزمن (الأيام) حيث نلاحظ: - تزايد كمية ADN الفيروسي في الغرفة (1) ثم يبدأ في التناقص. في حين يستمر هذا التزايد في الغرفة (3) دون أن ينخفض. - تزايد كمية ADN الخلوي في الغرفة (1) ثم تتثبت في حين لا تتجاوز الكمية في الغرفة (3). - تزايد كمية كل من الأجسام المضادة في الغرفة (1) ثم تبدأ في تناقص تدريجياً، في حين تبقى شبه معدومة في الغرفة (3). - تزايد كمية البرفورين في الغرفة (1) ثم تبدأ في تناقص تدريجياً، في حين تبقى معدومة في الغرفة (3). 										
6	<p>ب) تفسير النتائج المتحصل عليها:</p> <p>يرجع تزايد كمية ADN الخلوي في الغرفة 1 إلى تضاعف ADN (0.25) نتجة تكاثر الخلايا المناعية LB و LT8 المحسنتين (0.25) والمحفزة بواسطة IL2 (0.25) الذي أفرزته LTh في الغرفة 2 (0.25) والذي انتقل عبر الغشاء النفاذ إلى الغرفة 1 (0.25)، مما أدى إلى تميز من جهة LB إلى بلاسموسيت (0.25) المنتجة للأجسام المضادة والذي يفسر ارتفاع كمية IgA في الوسط (0.25)، ومن جهة أخرى تميز LT8 إلى LTC (0.25) المفرزة للبرفورين (0.25) والذي يفسر ارتفاع كميته في الوسط (0.25).</p>										
$\times 16$ 0.25											

العلامة	عناصر الإجابة (الموضوع الأول)		
مجموع	مجاًدة		
		<p>يرجع تناقص كمية ADN الفيروسي إلى التدخل كل من الأجسام المضادة مشكلة معقدات مناعية مع الفيروس (0.25) والذي يؤدي إلى تثبيط تكاثره وانتشاره (0.25) وتدخل LTC عن طريق البرفورين إلى تخريب الخلايا المصابة (0.25).</p> <p>يرجع استمرار تزايد كمية ADN الفيروسي في الغرفة 3 إلى تكاثر الفيروس (0.25) نتيجة عدم تدخل الخلايا المناعية المنفذة لعدم انتقال IL2 إلى الغرفة 3 (0.25) عبر الغشاء غير النفاذ للجزئيات (0.25).</p>	
1.50	6x0.25	<p>(2) تعليم نمط الاستجابة المناعي الذي حرضه المستضد في كل من الغرفتين (1) و(3):</p>	
		التعليم	نمط الاستجابة المناعية
		- إنتاج الأجسام المضادة.	- استجابة مناعية خلطية
		- إنتاج البرفورين.	- استجابة مناعية خلوية
		- تكاثر الفيروس-عدم انتاج جزيئات دفاعية.	- عدم حدوث استجابة مناعية.
3	2 1	<p>النص العلمي: يتطرق المرشح إلى:</p> <p>- مرحلة الانتخاب الممي والتنشيط ثم التكاثر والتمايز:</p> <p style="text-align: center;">IL2 - CMH -LT8 -CD4 -CD8 -LT4 - BCR -TCR</p> <p>- مرحلة التنفيذ: - الأجسام المضادة - البرفورين - الإنزيمات الحالة.</p>	

العلامة	عناصر الإجابة (الموضوع الثاني)	
مجموع	مجراة	
1	0.5 0.5	<p>التمرين الأول (6 نقاط)</p> <p>1) التعرف على مختلف الجزيئات السطحية هي:</p> <ul style="list-style-type: none"> - جزيئات (CMHII+CMHI) أو HLAII وHLAI - المستقبلات الغشائية لقطعة الثابتة للجسم المضاد من المعقد المناعي.
1.5	0.5×3	<p>2) استخراج النشاطات التي تقوم بها الخلية البالعنة حسب الوثيقة:</p> <ul style="list-style-type: none"> - بلعمة المستضد - تقديم الببتيد المستضدي: عرض الببتيد المستضدي مرتبطة بمعقد التوافق النسيجي(CMH) - تثبيت المعقد المناعي (جسم مضاد - مستضد) وبعلمه (القضاء على المعقد المناعي بواسطة نهاية الجزء الثابت للجسم المضاد على مستقبلات نوعية في غشاء البالعنة).
3.5	0.75 1 1 0.75	<p>3) النص العلمي:</p> <ul style="list-style-type: none"> • تتدخل البالعنة في مستويات مختلفة من الاستجابة المناعية بفضل جزيئاتها الغشائية، فكيف تتمكن من ذلك؟ • بواسطة الجزيئات الغشائية (CMHII, CMHI) تقوم البالعنة بعرض المحدد المستضدي لتتعرف عليه للمفاويات T مزدوجاً: LT8 على CMHI و LT4 على CMHII. • بواسطة المستقبلات الغشائية النوعية لنهاية الجزء الثابت للجسم المضاد تثبيت البالعنة المعقدات المناعية الناتجة ثم بعلمتها والتخلص منها. • بفضل الجزيئات الغشائية البروتينية تتدخل البالعات الكبيرة في انطلاق الاستجابة المناعية النوعية من خلال تقديم المحددات المستضدية، وفي نهايتها بالتخلص من المعقدات المناعية.
2.25	0.5 0.75 1	<p>التمرين الثاني (14 نقطة)</p> <p>الجزء الأول:</p> <p>(1) أقل عدد لـ n هو 3</p> <p>البرير: تتبع 3 نيكليوتيدات يعطي 64 إمكانية ما يعطى استعمال الـ 20 حمض أمينيا.</p> <p>ب) إعادة صياغة الفرضية:</p> <p>إن أي حمض أميني يتحدد في السلسلة البروتينية بتتابع 3 نيكليوتيدات من الـ ARNm</p>
3.25	1x3 0.25	<p>(2) إثبات صحة الفرضية: من نتائج التجربة نجد:</p> <ul style="list-style-type: none"> - عند إضافة 3 نيكليوتيدات يضاف حمض أميني في البروتين (السلسلة البروتينية). (ان) - عند حذف 3 نيكليوتيدات ينقص عدد الأحماض الأمينية في البروتين الواحد. (ان) <p>إذن يُحدَّد الحمض الأميني بتتابع ثلاث نيكليوتيدات في الـ ADN (ان)(رمزة ARNm) وهذا يؤكد صحة الفرضية. (0.25)</p>

العلامة		عناصر الإجابة (الموضوع الثاني)
مجموع	مجازأة	
1	1	<p>الجزء الثاني: (1) تبيان العلاقة: من تجارب Matthaei Niremberg فإن تتابع نوع النيكلويتيدات في الـ ARNm يُشفّر لنوع الأحماض الأمينية في البروتين.</p>
1.5	0.5 0.5 0.5	<p>ب) تعريف الرامزات:</p> <ul style="list-style-type: none"> - تتبع 3 قواعد من (U) رامزة (UUU) يُشفّر لحمض الفنيل ألانين (Phe). - وتتابع 3 قواعد من (A) رامزة (AAA) يُشفّر لحمض الليسين (Lys). - بينما تتالي 3 قواعد من (C) رامزة (CCC) يُشفّر لحمض البرولين (Pro).
0.5	0.5	<p>(2) تسمح تجربة Matthaei Niremberg بالكشف عن الشفرة الوراثية لاستعمال أربع (4) أحماض أمينية فقط.</p>
2.5	0.50 0.50 0.75 0.75	<p>(3) تفسير نتائج تجربة Khorana:</p> <p>* في حالة حصوله على ببتيدات من تتبع نوعين من الأحماض الأمينية بأن استعمال:</p> <ul style="list-style-type: none"> - السيرين(Ser) يحدده تتبع (UCC) واللوسين بتتابع (CUC) . - الثريونين يحدده تتبع (ACA) والهستدين بتتابع.(CAC) <p>* يفسر إنتاج ثنائيات وثلاثيات ببتيد عند استعمال 4 رامزات من 3 أنواع من القواعد بوجود رامزات لا يقابلها أي حمض أميني وهي رامزات التوقف (Stop).</p> <p>وتتمثل في الرامزات التالية: UGA، UAA، UAG .</p>
3	0.50 0.25 0.5 0.25 0.25 0.25 0.25 0.25 0.5	<p>الجزء الثالث:</p> <p>توضيح تحكم الرامزات في تحديد أنواع الأحماض الأمينية:</p> <ul style="list-style-type: none"> • يتشكل الـ ARNm من أربع أنواع من النيكلويتيدات تختلف بنوع القاعدة الأزوتية A, C, U, G • يسمح الأربع أنواع من القواعد في الـ ARNm بتكون 64 رامزة. • كل رامزة من تتبع 3 من القواعد تشكل الرامزة وحدة الشفرة الوراثية • تتحكم بعض الرامزات في استعمال حمض أميني واحد مثل رامزة الانطلاق AUG التي تشفّر لاستعمال الميثيونين. • يُشفّر لاستعمال بعض الأحماض الأمينية أكثر من رامزة من رامزتين مثل: AAC و AAU لأسبارجين (Asn) . • من 3 رامزات وهي: AUA و AUC و AUU للإзолوسين (Ile) . • من 4 رامزات مثل: GCU و GCC و GCA و GCG للألانين (Ala) . • من 6 رامزات مثل: CUC و CUU و CUA و CUG و UUA و UUG لللوسين (Leu) . • بعض الرامزات ليس لها معنى هي: UAA و UAG و UGA رامزات التوقف.